附件2

《儿童与成人呼吸道细菌微生物组多样性差异对2019-nCoV感染的影响研究》科研服务项目

一、项目实施研究内容：

1、通过细菌16s rDNA保守区V3区的基因片段设计引物，PCR-DGGE-基因克隆-测序法分别对2019-nCoV感染的成人患者和密切接触的非感染儿童呼吸道细菌微生物组的多样性进行评估。

2、研究两者间细菌微生物组的差异。

二、项目实施的技术方案

1、样本：采集实验组（新冠确诊样本）和对照组痰液、咽拭子、肺泡灌洗液标本；部分样本DNA已提取完成。

2、分析过程：细菌DNA的提取、PCR扩增反应、DGGE、基因克隆以及基因测序，结果和数据库进行BLAST比对，对DGGE图片的条带数目和相似度采用Quantity One进行分析，并计算反应菌落多样性的香浓-维纳指数。

3、结果报告：完成检测及生信分析。

4、检测样本200例。